論文の内容の要旨

Structural and functional analyses of nitrate transporters (硝酸イオン輸送体の構造・機能解析)

福田 昌弘

【背景·目的】

窒素は核酸やタンパク質など多くの生体物質の構成要素であり、生物の生存に必須 の元素である.自然界において窒素は窒素ガス (N₂) として最も豊富に存在するがこ れは極めて反応性に乏しいため、細菌から高等植物に至る多くの生物は硝酸イオン (NO₃⁻) や亜硝酸イオン (NO₂⁻) などの反応性の高い形態で窒素を外界から取り込 む.細胞内に取り込まれた NO₃⁻や NO₂⁻は順次還元されてアミノ酸などの生合成に用 いられるほか、細菌や真菌では嫌気条件下における硝酸呼吸の呼吸基質としても用 いられる. NO₃⁻や NO₂⁻の能動的な細胞内への取り込みおよび細胞外への排出は、主 に Nitrate/Nitrite Porter (NNP) family が担っている. NNP family は、古細菌から真正 細菌、高等植物まで広く保存されており、細胞膜を介した二次性能動輸送を司る最大 のスーパーファミリーMajor Facilitator Superfamily (MFS) の一種である. 一般に、 MFS による輸送過程では、細胞外側に開いている状態 (outward-open state) と細胞 内側に開いている状態 (inward-open state) とが、閉状態 (occluded state) を経て両 方向的に構造変化する点は共通であるが、各 family の基質選択性や駆動力は多岐 に渡る.本研究では、NNP family のうちで特によく研究されてきた大腸菌由来 NarK に着目した. NarK は NO₃⁻あるいは NO₂⁻の細胞膜を介した能動的な輸送に重要な役 割を果たすことは知られていたものの、その基質輸送機構に関しては、NO₃⁻/NO₂⁻対向輸送、NO₃⁻/H⁺共輸送、NO₂⁻/H⁺対向輸送など諸説あり、議論が続いていた.近年、 大腸菌由来 NarK の立体構造が NO₂⁻結合型 inward-open state にて報告されたものの (Zheng *et al.*, *Nature*, 2013)、報告された構造は単一の状態のみであり、その基質輸送 に伴うダイナミクスの理解は不十分であった.そこで本研究では、X 線結晶構造解析 によって NarK の立体構造を原子レベルで明らかにし、さらに構造情報に基づいた生 化学的解析や遺伝学的解析を組み合わせることで、NarK による基質輸送機構の解 明を目指した.

【方法・結果】

Escherichia coli 由来 NarK を GFP との融合タンパクとして大腸菌に発現させ,高純度に精製を行った.脂質キュービック相 (Lipidic Cubic Phase; LCP) 法によって異なる3 つの結晶化条件から結晶が得られ,水銀由来の異常分散効果を用いた単一重原子同形置換 (SIRAS) 法によって位相を決定し,最終的に3 種類の NarK の構造を分解能 2.35-2.40 Å で決定した (図1). NarK の全体構造は構造既知の他の MFS と同様に 12 本の膜貫通へリックス (TM1-TM12) から構成され, N-bundle (TM1-TM6) と

C-bundle (TM7-TM12) を形成していた.得ら れた3つのうち2つの 構造中には,N-bundle とC-bundleの間に三角 形型の電子密度が観 測された.これは精製 過程や結晶化中に含 まれる NO_3^- とよく一致 したことから,この部位 が NarKの NO_3^- 結合部 位であると考えられた. またこの部位は,先行 研究において明らかと なっていた NO_2^- 結合



図1 NarK の全体構造

上段の図において, TM2, TM5, TM7, TM8, TM10, TM11 をそれぞれ水 色,緑,オレンジ,黄,濃ピンク,紫で着色し,残りのTMは, N-bundle はうす青色, C-bundle はうすピンクで表した. 下段は細胞膜に対して垂直方向の断面図を表す. 部位と一致したことから, NarK に対して NO₃⁻, NO₂⁻ともに結合可能であるものの, その結合は競合的であることが明らかとなった. 今回得られた 3 種の構造には, この基質結合部位が細胞内側へ露出している inward-open state と, 細胞内外側ともに閉塞している occluded state の 2 種類が存在し, それぞれ基質の結合状態と合わせて, NO₃⁻結合型 occluded state, NO₃⁻結合型 inward-open state, 基質非結合型 inward-open state と名付けた.

今回得られた occluded state と inward-open state の構造は全体としてはよく重なるも のの、構造的な違いが主に C-bundle に見られた. 具体的には、他の TM ヘリックスに 比べて細胞内側に長く突き出した TM10, TM11 に保存性の高い Gly 残基群を起点と した折れ曲がりが生じており、さらにこれらの TM10, TM11 と接している TM7 にも高度 に保存された Gly268 を起点としてわずかな折れ曲がりが見られた (図 2 左). これら TM の折れ曲がりの重要性を検証するために遺伝学的解析を行ったところ (東京大学 伊藤耕一博士との共同研究), Gly 残基変異体 NarK を発現させた大腸菌では NO_3^- 取り 込み活性が消失したことから、これらの Gly 残基に起因する TM のフレキシビリティー が基質輸送に重要であることが明らかとなった. さらに、occluded state と inward-open state の基質結合部位を比較すると、基質認識様式に違いが見られた (図 2 右). 具体 的には、inward-open state では Tyr263, およびこれと水素結合を形成している Arg305 に N-bundle 側から遠ざかる方向への構造変化が生じている結果、occluded state と比 べて基質認識部位の空間体積が増大している上、 NO_3^- との相互作用様式や NO_3^- の 配向にも変化が生じていた. Tyr263 は TM7 上に存在しており、この Tyr263 の動きは TM7 の折れ曲がりに由来するものであった. これら基質認識部位の残基の重要性を

検証するために遺伝 学的解析を行ったと ころ (東京大学 伊藤 耕一博士との共同研 究),基質認識残基は すべて NO₃-取り込み に重要であるが,そ のうちでも特に Tyr263とArg305が重 要であることが明らか



図 2 TM の折れ曲がりと基質結合部位

occluded state を濃色, inward-open state を淡色として重ね合わせた. 右の図中の緑の破線は inward-open state における水素結合を表す. となった. 以上の結果から, TM ヘリックスの折れ曲がりというグローバルな構造変化は, 基質認識部位の Tyr263 と Arg305 の側鎖のローカルな動きと共役しており, 基質認識 様式の変化および基質認識部位の空間体積の増加を生じさせることで NarK の基質 へのアフィニティーを低下させ, 細胞内側への基質輸送を促進していることが示唆さ れた.

NarK による輸送機構をさらに詳細に調べるため,精製した NarK を人工的な脂質二 重膜であるリポソームに再構成して, NO₂⁻特異的に反応する蛍光物質 DAF-FM を用 いた NO₂⁻輸送アッセイを行った. その結果, NarK が NO₃⁻/NO₂⁻対向輸送体であること を *in vitro* で初めて実験的に実証した. また,分子動力学シミュレーションの結果, occluded state は基質存在下ではシミュレーション時間中で大きな構造変化が起こらな い一方で,基質非結合状態では基質結合部位の 2 つの正電性残基 (Arg89 と Arg305) 同士の静電的な反発のため短時間で構造に変化が生じ, TM10 や TM11 が 細胞内側に開く動きが観察された. この結果は NarK が単輸送体としてではなく対向 輸送体として働くという仮説を支持するものであった.

【総括】

本研究では, NarK が NO₃⁻/NO₂⁻対向輸 送体であることを明ら かにし, さらに, X線結 晶構造解析と生化学 的, 遺伝学的解析を 組み合わせることで構 造変化と基質認識の 共役による NO₃⁻/NO₂⁻ 対向輸送モデルを提 唱した (図 3).



図 3 NarK による NO₃⁻/NO₂⁻対向輸送モデル

図中では、Arg89、Tyr263、Arg305 および輸送基質である NO3-と NO2-を模式的に表した. Gly 残基群による TM7、TM10、TM11 の折れ曲がり部 位は黄緑色で表した. また、N-bundle と C-bundle はそれぞれうす青色、 うすピンクで表した. 今回得られた構造に相当する状態は赤枠で囲んだ.